

**ГАЙМОРИТ КАСАЛЛИГИНИ ҚЎЗГАТУВЧИЛАРИНИ БАКТЕРИОЛОГИК
АНИҚЛАШ УСЛУБИ**

Таирова С. Ф.

Ўзбекистон Республикаси Фанлар Академияси Иммунология ва инсон геномикаси
институтини, Бухоро давлат тиббиёт институтини

Нуралиев Н. А.

Ўзбекистон Республикаси Фанлар Академияси Иммунология ва инсон геномикаси
институтини, Бухоро давлат тиббиёт институтини

Тадқиқот мақсади. Болаларда сурункали гайморитлар кечиш ва даволаш динамикасида улар қўзгатувчиларини аниқлашнинг ташхисий қийматини баҳолаш усулини ишлаб чиқиш.

Тадқиқот усуллари. Ушбу мақсадга эришиш учун 15 ёшгача бўлган 130 нафар бемор болаларда ўрганилди. Барча кўрикдан ўтказилган умумий контингентнинг 69 нафари ($53,1 \pm 4,4\%$) ўғил болалар ва 61 нафари ($46,9 \pm 4,4\%$) қиз болалар эди. Улар орасида 98 нафари ($75,4 \pm 3,8\%$) қишлоқ, 32 нафари ($24,6 \pm 3,8\%$) шаҳар аҳолисидир. Беморларнинг ёши бўйича тақсимланиши куйидагича эди: 0 ёшдан 6 ёшгача - 39 ($30,0 \pm 4,0\%$) болалар; 7 ёшдан 15 ёшгача - 91 ($70,0 \pm 4,0\%$) болалар.

Тадқиқот натижалари ва муҳокама. Аниқланишича, $6,9 \pm 2,2\%$ ($n = 9$) ҳолатда “салбий бактериологик натижа”, $93,1 \pm 2,2\%$ ($n = 121$) ҳолларда “ижобий бактериологик натижа” қайд этилган. Шунинг тақдирини лозимки, $33,1 \pm 4,3\%$ ($n = 40$) ҳолларда патогеннинг монокультураси ва $66,9 \pm 4,3\%$ ҳолларда ($n = 81$) микроорганизмлар йиғиндиси (асосан 2-3 патоген) олинган.

Жаррохликдан олдин сурункали гайморит ва ўткир гайморит ($n = 121$) бўлган болаларнинг материалдан этиологик воситаларни экиш куйидаги натижани кўрсатди.

Streptococcus viridans - $21,5 \pm 3,7\%$ ($n=26$);

Staphylococcus aureus - $19,0 \pm 3,6\%$ ($n=23$);

Staphylococcus epidermidis - $16,5 \pm 3,4\%$ ($n=20$);

Pseudomonas aeruginosa - $15,7 \pm 3,3\%$ ($n=19$);

Escherichia coli - $13,2 \pm 3,1\%$ ($n=16$);

Enterococcus spp - $5,8 \pm 2,1\%$ ($n=7$);

Proteus spp - $5,0 \pm 2,0\%$ ($n=6$);

Staphylococcus haemolyticus - $1,7 \pm 1,2\%$ ($n=2$);

Staphylococcus saprophyticus - $1,7 \pm 1,2\%$ ($n=2$).

Касал болаларда сурункали гайморит билан 95 та ҳолатдан 88 тасида ($92,6 \pm 2,7\%$), шунингдек, 35 та ҳолатдан 33 тасида ($94,3 \pm 3,9\%$) ўткир гайморитда патогенларнинг кўпайиши қайд этилган.

Сурункали гайморитнинг микробиал ландшафти ($n = 88$) штамлари билан ифодаланади, асосан *Pseudomonas aeruginosa* ($19,3 \pm 4,2\%$, $n = 17$), *Escherichia coli* ($13,6 \pm 3,7\%$, $n = 12$), *Staphylococcus aureus* ($11,4 \pm 3,4\%$, $n=10$), *Streptococcus viridans* ($10,2 \pm 3,2\%$, $n = 9$), *Staphylococcus epidermidis* ($10,2 \pm 3,2\%$, $n = 9$) ва бошқалар.

Ўткир гайморитда сурункали гайморитдан фарқли ўлароқ (таққослаш гуруҳи) грам-мусбат микрофлора устунлик қилди ва патогенлар спектри сезиларли даражада камрок эди ($P < 0,05$). Шунингдек, бактериал контаминациянинг (ифлосланиш) динамик кўрсаткичлари ҳар иккала таққосланган гуруҳда операциядан кейинги бушликда патогенларнинг тур таркибининг қисман ўзгариши билан тавсифланганлиги аниқланди. Маълум бўлишича, операциядан олдин фақат 7 та ҳолатда ($7,3 \pm 2,7\%$) сурункали гайморит ва 2 та ҳолатда ($5,7 \pm 3,9\%$) ўткир гайморитда «салбий бактериологик натижа» ва операциядан 3 кун ўтгач, салбий ўсиш мос равишда $43,1 \pm 5,1\%$ ($n = 41$) ва $40,0 \pm 8,3\%$ ($n = 14$) ни ташкил этди. Бу иккала гуруҳдаги болаларда муваффақиятли даволаш чораларини кўрсатади ($P < 0,05$).

Тадқиқот динамикасида сурункали гайморитда *Staphylococcus aureus* экиш тезлигига кўра, куйидаги кўрсаткичлар олинган.

операциядан олдин - $11,4 \pm 3,4\%$ ($n=10$);
операциядан кейинги 3- куни - $13,6 \pm 3,7\%$ ($n=12$);
операциядан кейинги 7- куни - $11,4 \pm 3,4\%$ ($n=10$);
операциядан кейинги 14- куни - $9,1 \pm 3,1\%$ ($n=8$).

Болаларда ўткир гайморитда *Staphylococcus aureus* экиш тезлигига кўра, бир оз бошқача кўрсаткичлар олинган – мос равишда худди шу тадқиқот даврида:

операциядан олдин - $39,3 \pm 8,5\%$ ($n=13$);
операциядан кейинги 3- куни - $24,2 \pm 7,5\%$ ($n=8$);
операциядан кейинги 7- куни - $21,2 \pm 7,1\%$ ($n=7$);
операциядан кейинги 14- куни - $12,1 \pm 5,7\%$ ($n=4$).

Қиёсий таҳлил шунини кўрсатдики, 1-гуруҳ (асосий гуруҳ) касал болаларда тадқиқот динамикасидаги кўрсаткичлар ўртасида сезиларли ўзгаришлар йўқ (операциядан олдин, операциядан кейинги 3, 7 ва 14-кунларда) - $P > 0,05$, 2 гуруҳда (таққослаш гуруҳи) бир ҳил ўрганиш даврида динамикада кўрсаткичлар ўртасидаги статистик жиҳатдан муҳим фарқларни қайд этди ($P < 0,05$ - $P < 0,001$).

1-гуруҳдаги *Streptococcus viridans* нинг экиш даражаси *Staphylococcus aureus* нинг униб чиқиш фоизидан деярли фарқ қилмади ва 2-гуруҳдаги касал болаларда *Streptococcus viridans* га нисбатан *Staphylococcus aureus* нинг сезиларли даражада юқори экиш даражаси қайд этилди ($P < 0,05$).

Худди шундай натижалар касал болаларда ва даволаш динамикасида *Staphylococcus epidermidis* нинг экиш даражаси бўйича олинган. Биз ушбу кўрсаткич учун ҳеч қандай махсус қонуниятларли аниқламадик, операциядан кейинги экиш даражаси пасайиш ёки ўсиш учун аниқ тенденцияга эга эмас эди ($P > 0,05$).

Хулоса

1. Болаларда сурункали гайморитда беморлардан жаррохлик аралашувигача (даволашнинг боғланиши) биологик материал кўпроқ *Streptococcus viridans* (21,5%), *Staphylococcus aureus* (19,0%), *Staphylococcus epidermidis* (16,5%), *Pseudomonas aeruginosa* (15,7%), *Escherichia coli* (13,2%) ва камроқ *Enterococcus spp* (5,8%), *Proteus spp* (5,0%), *Staphylococcus haemolyticus* (1,7%) ва *Staphylococcus saprophyticus* (1,7%) экилган. Сурункали гайморитда касал болаларда грамм- манфий микрофлора, ўткир гайморитларда эса грам- мусбат микрофлора устунлик қилиши аниқланди, бундан ташқари, сурункали гайморитда патогенлар спектри ўткир гайморитга қараганда анча кенгрок эди.

2. Жаррохлик даволашдан сўнг динамикада бактериал ифлосланиш кўрсаткичлари иккала гуруҳдаги патогенларнинг тур таркибининг қисман ўзгариши билан ажралиб турди. Аниқланишича, операциядан олдин сурункали гайморитда 7,3%, ўткир гайморитда 5,7% «салбий бактериологик натижа» кузатилган бўлса, операциядан кейинги 3-куни бу кўрсаткичнинг гуруҳларда мос равишда ўсиши 43,1% ва 40,0% ни ташкил этди.